



Registre SMTS

Numéro d'accréditation : SMTS 0049

Norme internationale : ISO 15189:2012
Norme suisse : SN EN ISO 15189:2013

GENESUPPORT SA
Site Principal
Rue du Champ-Blanchod 4
1228 Plan-les-Ouates

Site de Lausanne
Avenue de Sévelin 18
CH-1004 Lausanne

Responsable : M. Marco Belfiore
Responsable Ass. Qualité : Mme Magali Leeman
Téléphone : +41 21 623 44 00
E-Mail : <mailto:Magali.leeman@gene-support.ch>
Internet : <http://www.genesupport.ch>
Première accréditation : 14.06.2021
Accréditation actuelle : 14.06.2021 au 13.06.2026
Registre voir : www.sas.admin.ch
(Organismes accrédités)

Portée de l'accréditation dès 22.09.2023

Laboratoire de biologie médicale pour les analyses dans le domaine de la génétique humaine

Produits, matériaux, domaine	Principe de mesure ²⁾ (caractéristiques, étendue de mesure, genres d'essais)	Méthodes d'essais, remarques (normes nationales et internationales, méthodes internes)
Siège Principal – Plan-les Ouates		
Génétique		
Test génétique préimplantatoire	Séquençage Haut-Débit : - Anomalies chromosomiques	Méthodes commerciales (Ion ReproSeq PGS Kit - Thermo Fisher Scientific)
Biopsies	Séquençage Haut-Débit : - Analyse de liaison pour identification indirecte de mutations	Méthodes commerciales (Kit PGD-Seq de ThermoFisher)
Dépistage prénatal non invasif	Séquençage Haut-Débit : - Anomalies chromosomiques	Méthode commerciale (VeriSeq Illumina V2 (CE-IVD))
Sang		

1) Portée de l'accréditation de type A (fixe)

2) Portée de l'accréditation de type B (flexible)

3) Portée de l'accréditation de type C (flexible)



Registre SMTS

Numéro d'accréditation : SMTS 0049

Produits, matériaux, domaine	Principe de mesure ²⁾ (caractéristiques, étendue de mesure, genres d'essais)	Méthodes d'essais, remarques (normes nationales et internationales, méthodes internes)
Diagnostic moléculaire		
Sang, tissus, liquides biologiques	Séquençage Haut-Débit - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthode commerciale (Twist Human Core Exome EF Multiplex + Twist Human RefSeq Spike-in)
Sang, tissus, liquides biologiques	Séquençage ADN (Sanger) : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthodes interne (N° 36434)
Biopsies	Séquençage Haut-Débit (Amplicons) : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthodes commerciales (Onco-mine Assay)
Site – Lausanne		
Génétique		
Dépistage		
Sang liquide biologique	Centrifugation – Fluorescence-Immunoessai : - Spécificité des anticorps	Méthode commerciale (TRACE (Time Resolved Amplified Cryptate Emission), KRYPTOR)
Cytogénétique		
Sang, tissus, liquides biologiques	Culture cellulaire – Caryotypage – Microscopie optique - Diagnostic prénatal/postnatal, anomalies chromosomiques	Méthodes internes issues de la littérature (ISCN International System for Human Genetics) (N°41246)



Registre SMTS

Numéro d'accréditation : SMTS 0049

Produits, matériaux, domaine	Principe de mesure ²⁾ (caractéristiques, étendue de mesure, genres d'essais)	Méthodes d'essais, remarques (normes nationales et internationales, méthodes internes)
Sang, liquides biologiques, sperme, tissus, urine, salive	Centrifugation - Hybridation fluorescente in situ (FISH) – Microscopie fluorescence : - Altérations numériques génériques - Anomalies chromosomiques	Méthodes commerciales modifiées (Aneuvysion, Pathvysion) (N° 41772, N° 34790)
Sang, tissus, liquides biologiques	Culture cellulaire - Hybridation fluorescente in situ (FISH) – Microscopie fluorescence : - Altérations numériques génériques - Anomalies chromosomiques	Méthodes commerciales modifiées (Aneuvysion, Pathvysion) Méthodes commerciales modifiées (N°42374, N° 34790)
Tissus	Hybridation fluorescente in situ (FISH) – Microscopie fluorescence : - Anomalie chromosomique	Méthodes commerciales modifiées (N° 41772, N° 34790)
Cytogénomique		
Sang, tissus, liquides biologiques	Extraction ADN – Amplification par PCR - Comparative genome hybridization (CGH) array : - Anomalie chromosomique	Méthode commerciale (Affymetrix cytoscan)
Diagnostic moléculaire		
Sang, salive, liquides biologiques, tissus	Extraction ADN - Amplification par PCR - Détection de mutations par électrophorèse capillaire : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthode commerciale (ELUCIGEN CFTR CFEU2v1)
Sang, salive, liquides biologiques, tissus	Extraction ADN - Amplification par PCR - Electrophorèse capillaire : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthode commerciale (PROMEGA Y Chromosome AZF Analysis System)
Sang, salive, liquides biologiques, tissus	Extraction ADN - Amplification par PCR - Electrophorèse capillaire : - Génotype	Méthode interne (N° 34623)



Registre SMTS

Numéro d'accréditation : SMTS 0049

Produits, matériaux, domaine	Principe de mesure ²⁾ (caractéristiques, étendue de mesure, genres d'essais)	Méthodes d'essais, remarques (normes nationales et internationales, méthodes internes)
Sang, salive, liquides stériles, tissus	Extraction ADN - Amplification par PCR - Electrophorèse capillaire : - Génotype	Méthode commerciale (ASURAGEN AmplideX PCR/CE FMR1)
Sang, salive, liquides stériles, tissus	Extraction ADN - Amplification par PCR - Multiplex Ligation-dependent probe (MLPA) : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthode commerciale (MRC-HOLLAND Salsa MLPA)
Sang, salive, liquides biologiques, tissus	Extraction ADN - Amplification par Real-time PCR – Fluorescence : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.) - Genotype	Méthodes internes (N° 34587, N° 34599) Méthodes internes (N° 34619)
Sang, salive, liquides biologiques, tissus	Extraction ADN - Amplification par PCR} : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthodes commerciales (Sophia Genetics hereditary cancer solution (HCS panel de 27 gènes))
Sang, salive, liquides biologiques, tissus	Extraction ADN - Séquençage ADN (Sanger) : - ADN qualitatif (Mutations génétiques, SNP, Clonalité, Instabilité microsatellitaire, etc.)	Méthodes interne (N° 35875)
Sang	Extraction ADN – Amplification par PCR - Comparative genome hybridization (CGH) array : - Recherche des déséquilibres génomiques	Méthode commerciale (Agilent SurePrint G3 Human CGH Microarray 4x180K)
Sang	Extraction – Real Time PCR - Analyse de mutations ponctuelles	Méthode commerciale (Kit Generi)



Registre SMTS

Numéro d'accréditation : SMTS 0049

Abréviation	Signification
ADN	Acide désoxyribonucléique
NGS	Next Generation Sequencing
IVD	In Vitro Diagnostics
SNP	Single nucleotide polymorphism
PCR	Polymerase Chain Reaction

* / * / * / * / *