

Registre STS

Numéro d'accréditation : STS 0680

Norme internationale : ISO/CEI 17025:2017
Norme suisse : SN EN ISO/CEI 17025:2018

Genesupport SA
Laboratoire de Génétique
Rue Champ-Blanchod 4
CH-1228 Plan-les-Ouates

Responsable : M. Marco Belfiore
Responsable Ass. Qualité : Mme Magali Leeeman
Téléphone : +41 22 794 22 23
E-Mail : [mailto: benoit.winiger@gene-support.ch](mailto:benoit.winiger@gene-support.ch)
Internet : <http://www.genesupport.ch>
Première accréditation : 28.09.2020
Accréditation actuelle : 28.09.2020 au 27.09.2025
Registre voir : www.sas.admin.ch
(Organismes accrédités)

Portée de l'accréditation dès 19.06.2023

Laboratoire d'essais pour le séquençage à haut-débit (NGS) d'organismes animal ou de végétaux

Produits, matériaux, domaine	Principe de mesure ²⁾ (caractéristiques, étendue de mesure, genres d'essais)	Méthodes d'essais, remarques (normes nationales et internationales, méthodes internes)
Analyse Métagénomique rapide ADN extrait de microorganismes ou d'échantillons environnementaux.	Préparation des bibliothèques Séquençage à haut débit (NGS) Basecalling	Protocole Metafast PCR (NGS_S_IL-MetaFast-DNA) Séquençage par kits commerciaux Illumina sur séquenceur Miseq, Nextseq, Novaseq
Séquençage du transcriptome polyadénylé ARN purifié provenant de tout type d'organismes	Sélection et transcription inverse Préparation des bibliothèques Séquençage à haut débit (NGS) Basecalling	Protocole Stranded mRNA (NGS_S_IL-Stranded-mRNA) Préparation des bibliothèques et séquençage par kits commerciaux Illumina



Registre STS

Numéro d'accréditation : STS 0680

Produits, matériaux, domaine	Principe de mesure ²⁾ (caractéristiques, étendue de mesure, genres d'essais)	Méthodes d'essais, remarques (normes nationales et internationales, méthodes internes)
<p>Séquençage du transcriptome avec élimination de l'ARN ribosomal</p> <p>ARN purifié provenant de tout type d'organismes</p>	<p>Elimination de l'ARNr et transcription inverse Préparation des bibliothèques Séquençage à haut débit (NGS) Basecalling</p>	<p>Protocole rRNA-depletion (NGS_S_IL-RiboZero-RNA) Préparation des bibliothèques et séquençage par kits commerciaux Illumina</p>
<p>Analyse des ARN de petite taille</p> <p>ARN purifié provenant de mammifères ou de végétaux</p>	<p>Transcription inverse Préparation des bibliothèques Séquençage à haut débit (NGS) Basecalling</p>	<p>Protocole Small RNA (NGS_S_IL-QIAseq-miRNA) Séquençage par kits commerciaux Illumina sur robot Miseq, Nextseq, Novaseq</p>
<p>Séquençage du génome total</p> <p>ADN génomique purifié provenant de tout type d'organisme</p>	<p>Fragmentation ADN Préparation des bibliothèques Séquençage à haut débit (NGS) Basecalling</p>	<p>Protocoles DNA Nano 250 ou 350 ou 550 pb (NGS_S_Nano_DNA) Préparation des bibliothèques et séquençage par kits commerciaux Illumina</p>

Abréviation	Signification
ADN ou DNA	Acide désoxyribonucléique
ARN ou RNA	Acide ribonucléique
ARNm ou mRNA	Acide ribonucléique messager
ARNr ou rRNA	Acide ribonucléique ribosomal
NGS	Séquençage à haut débit
PCR	Polymérase Chain Reaction

* / * / * / * / *